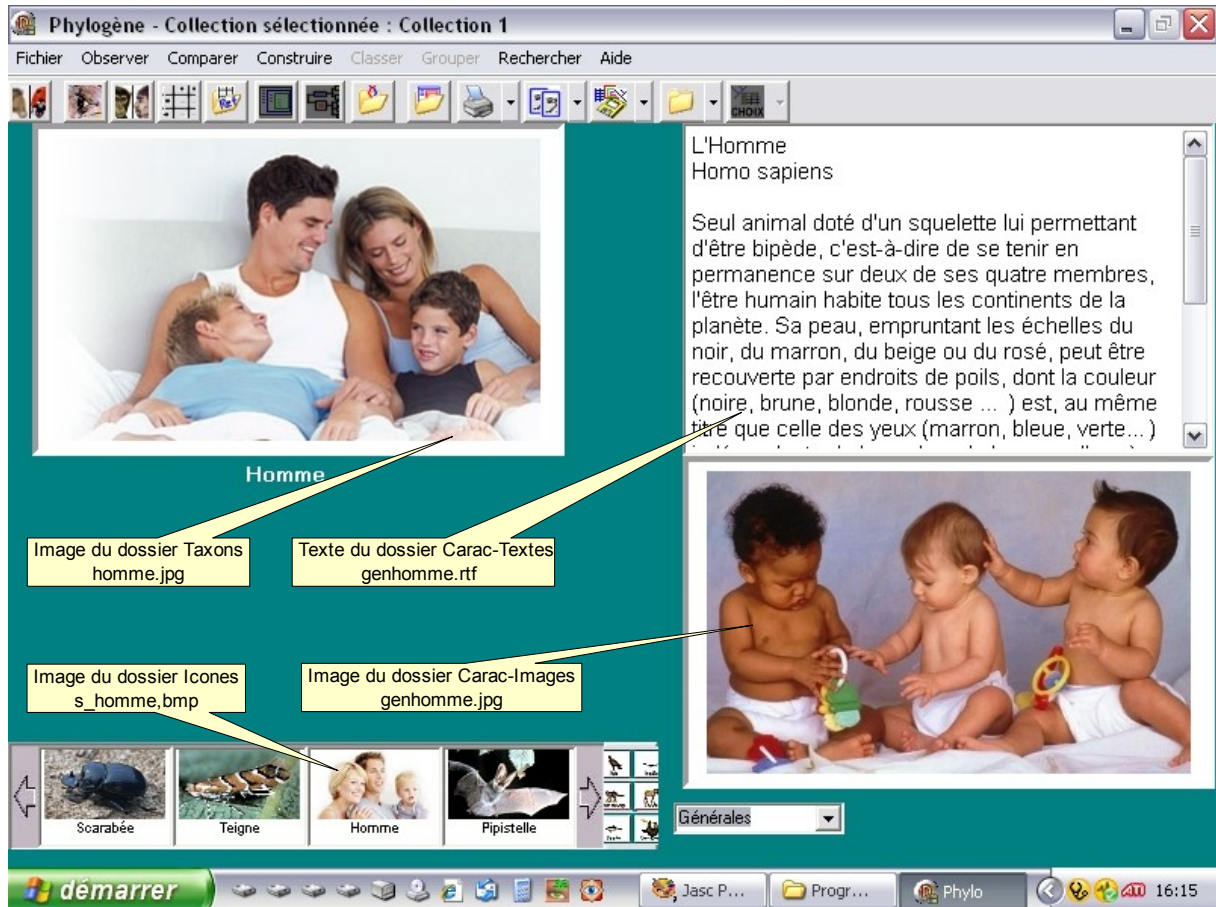


Comment réaliser votre collection personnelle.


Le générateur que nous vous proposons va vous permettre de réaliser très facilement le script pour Phylogène de votre collection personnelle. Pour chacun des 20 animaux, vous pourrez présenter 3 photographies, 2 textes et proposer 26 attributs. Ces chiffres représentant des limites maximum, votre collection pourra être plus modeste. Elle se présentera comme le modèle ci-dessous.



Outre les données générales, l'élève pourra accéder si vous le souhaitez à des données anatomiques supplémentaires. Pour cela, vous devrez créer une image et un texte supplémentaires.

Phylogène - Collection sélectionnée : Collection 1

Fichier Observer Comparer Construire Classer Grouper Rechercher Aide






Homme

L'Homme
Homo sapiens

Seul animal doté d'un squelette lui permettant d'être bipède, c'est-à-dire de se tenir en permanence sur deux de ses quatre membres, l'être humain habite tous les continents de la planète. Sa peau, empruntant les échelles du noir, du marron, du beige ou du rosé, peut être recouverte par endroits de poils, dont la couleur (noire, brune, blonde, rousse ...) est, au même titre que celle des yeux (marron, bleue, verte...)

Texte du dossier Carac-Textes zoomhomme.rtf

Image du dossier Carac-Images zoomhomme.jpg



Scarabée Teigne Homme Pipistelle Anatomiques

démarrer Jasc P... Progr... Phyl... 16:15

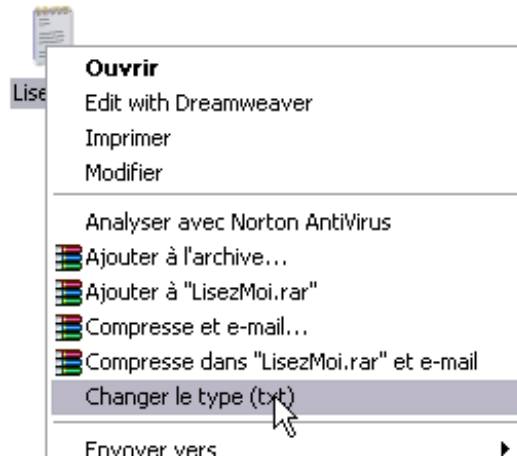
Les logiciels indispensables.

Une **suite bureautique** Office de Microsoft ou OpenOffice.org

Un logiciel de **traitement d'images**.

Un logiciel capable de changer l'extension des noms de fichiers.

Change_extension est un logiciel libre et gratuit qui réalise parfaitement ce travail. Il est fourni dans l'archive avec l'aimable autorisation de son auteur Pierre-Marie Devigne. Vous pouvez l'installer sans crainte sur votre machine. Il ajoute cette fonction dans le menu contextuel du « clic » droit de votre souris.



Cela nous sera très utile au moment de la création du script de la collection.

Le **générateur** de script fourni dans sa version Excel et OpenOffice.

Une **arborescence** vide fournie dans l'archive pour accueillir votre collection personnelle.

Préparation de votre collection personnelle.

1. Dans le dossier « Collections » de Phylogène, collez le dossier « **arborescence** » fourni dans l'archive et renommez le du nom de votre collection personnelle.
2. Ouvrez ce dossier. Vous y trouvez en plus des sous-dossiers deux images et un fichier texte baptisé « Nom ».



Le fichier image au format JPG doit avoir une dimension 450X290 et porter le nom de votre collection personnelle.

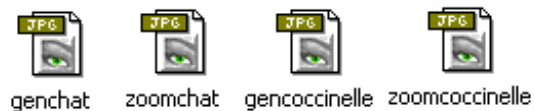
Le fichier image au format BMP doit avoir une dimension 90X70 et porter le nom Icône- suivi du nom de votre collection, séparés d'un simple trait d'union.

Ne changez pas le nom du fichier texte qui doit s'appeler « Nom ».

Ouvrez le pour y inscrire le nom de votre collection puis sauvegardez le.

Important : Tous les noms d'images ou de textes doivent être écrits en minuscules sans accentuation.

3. Dans le dossier **Carac-Images** vous devez placer deux images au format JPG d'une taille de 320X200.



La première nommée gen suivi du nom de l'animal.

La seconde nommée zoom suivi du nom de l'animal.

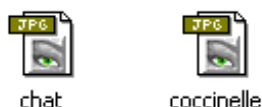
4. Dans le dossier **Carac-textes**, vous devez placer vos deux textes, réalisés avec World ou Open Office, mais sauvegardés au **format rtf**.



Le premier nommé gen suivi du nom de l'animal.

Le second nommé zoom suivi du nom de l'animal.

5. Dans le dossier **Taxons** vous devez placer la troisième image au format JPG d'une taille de 320X200.



Cette image portera le nom de l'animal.

6. Dans le dossier **Icones** vous devez placer une image au format BMP d'une taille 80X50.



s_chat



s_coccinelle

Cette image sera nommée s_ suivi du nom de l'animal. Attention au symbole souligné et non trait d'union.

Les cellules **C8 – AB8**. Permettent de choisir la photographie qui doit être affichée au moment où l'élève construit la matrice.
Exemple pour l'attribut squelette interne.

The image displays two side-by-side screenshots of the 'Phylogène' software interface, specifically the 'Collection sélectionnée : Collection 1' window. Both windows show a table with columns for 'Tête et bouche', 'Squelette interne', 'Squelette externe', and 'Mamelles', and rows for 'Homme', 'Toule', 'Pigeon', 'Poule', and 'Coccinelle'. In both, the 'Squelette interne' column for 'Homme' is selected, and a dropdown menu is open showing 'Absent' and 'Présent'. A yellow callout bubble points to the 'Présent' option in the dropdown.

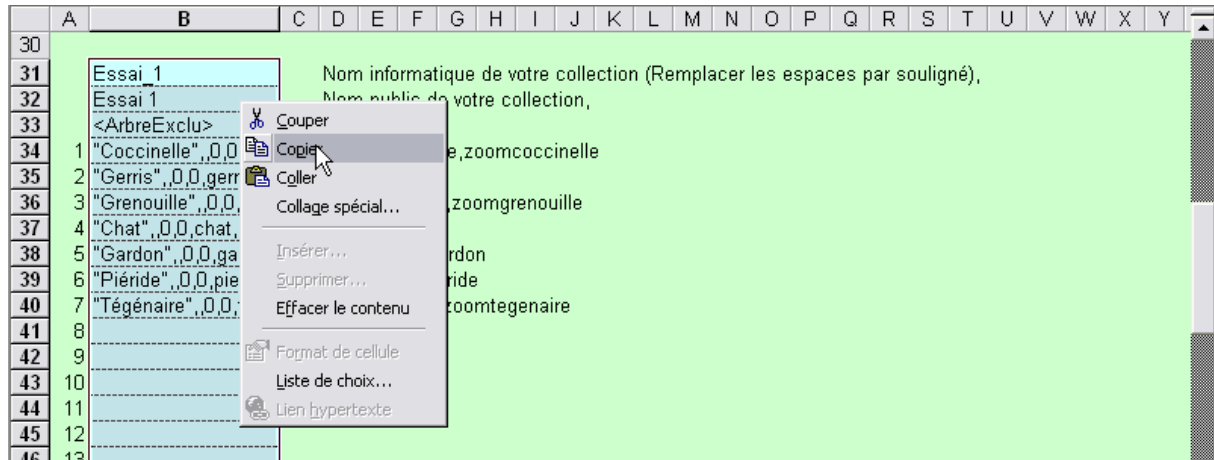
Left Screenshot (Cellule cochée): The dropdown menu is open, and 'zoomhomme.jpg' is highlighted. Below the table, a gallery of images is visible, with 'Homme' selected. The label 'Cellule cochée' is centered below the gallery.

Right Screenshot (Cellule non cochée): The dropdown menu is open, and 'genhomme.jpg' is highlighted. Below the table, a gallery of images is visible, with 'Homme' selected. The label 'Cellule non cochée' is centered below the gallery.

La préparation de votre collection est terminée.

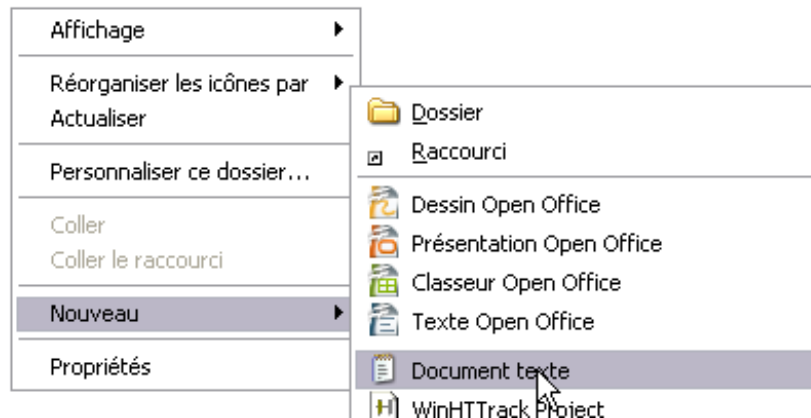
Récupération du script pour Phylogène.

Quand les données sont entrées, le script indispensable à Phylogène apparaît dans les cellules B31 – B108.

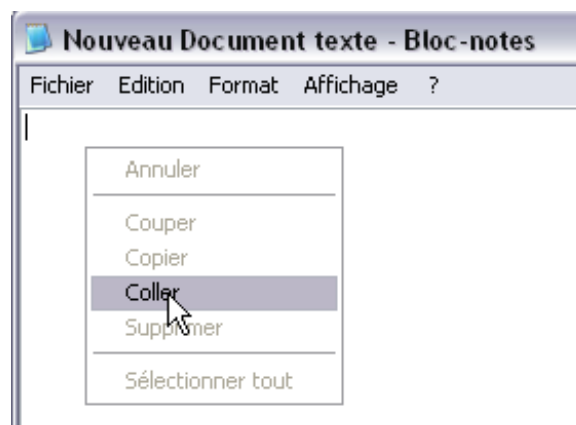


Capturez toutes les cellules de la colonne B, de B31 à B108, puis clic droit et copier.

Allez dans le dossier **Fichiers-Images** de votre collection personnelle. Il est vide. Clic droit, Nouveau/Document texte.



Ouvrez ce nouveau document texte, puis clic droit/coller.



```

Nouveau Document texte - Bloc-notes
Fichier Edition Format Affichage ?
Essai_1
Essai 1
<ArbreExclu>
"Coccinelle",,0,0,coccinelle,gencoccinelle,zoomcoccinelle
"Gerris",,0,0,gerris,gengerris,zoomgerris
"Grenouille",,0,0,grenouille,gengrenouille,zoomgrenouille
"Chat",,0,0,chat,genchat,zoomchat
"Gardon",,0,0,gardon,gengardon,zoomgardon
"Piéride",,0,0,pieride,genpieride,zoompieride
"Tégénaire",,0,0,tegenaire,gentegenaire,zoomtegenaire

<Caractères v2>
Générales,Anatomiques
2
1,1
Générales,Anatomiques
"Bouche",Générales,1,Absent,,Présent,,
"Squelette externe",Générales,1,Absent,,Présent,,

```

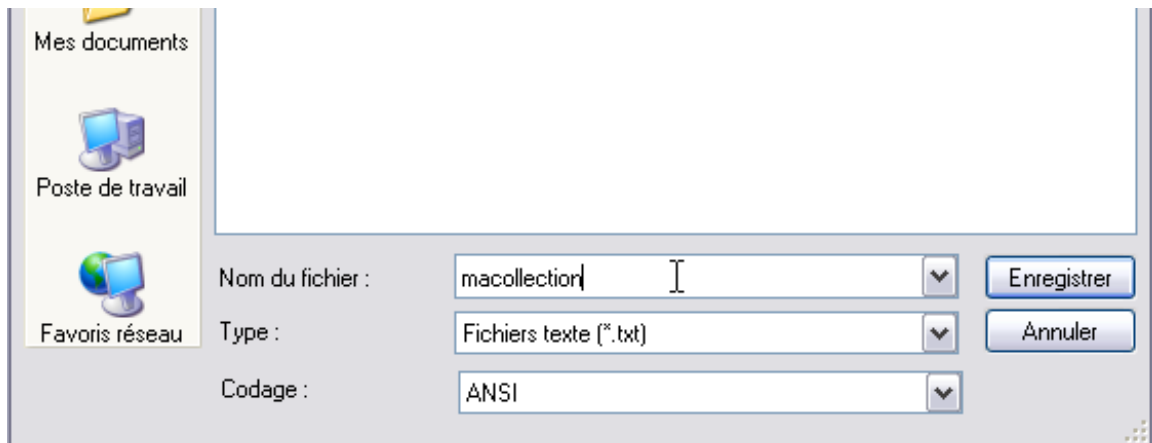
Le script apparaît dans le document texte mais comporte beaucoup de lignes vides. Il faut obligatoirement supprimer toutes les lignes vides, même celles qui peuvent se trouver en dessous de la dernière ligne de texte.

```

Nouveau Document texte - Bloc-notes
Fichier Edition Format Affichage ?
Nouveau Ctrl+N
Ouvrir... Ctrl+O
Enregistrer Ctrl+S
Enregistrer sous...
Mise en page...
Imprimer... Ctrl+P
Quitter
cinelle,gencoccinelle,zoomcoccinelle
gengerris, zoomgerris
nouille, gengrenouille, zoomgrenouille
nat, zoomchat
gengardon, zoomgardon
e, genpieride, zoompieride
naire, gentegenaire, zoomtegenaire
Générales,Anatomiques
2
1,1
Générales,Anatomiques
"Bouche",Générales,1,Absent,,Présent,,
"Squelette externe",Générales,1,Absent,,Présent,,
"Squelette interne",Générales,1,Absent,,Présent,,

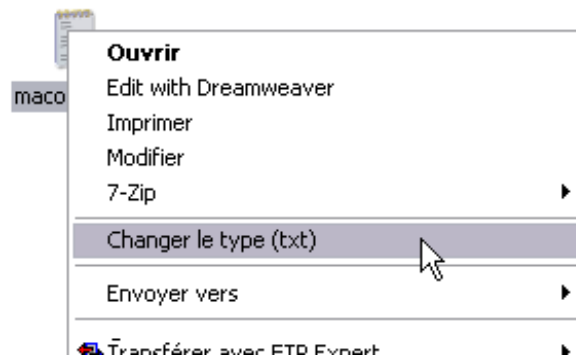
```

Une fois le texte compacté, allez dans Fichier/Enregistrer sous...

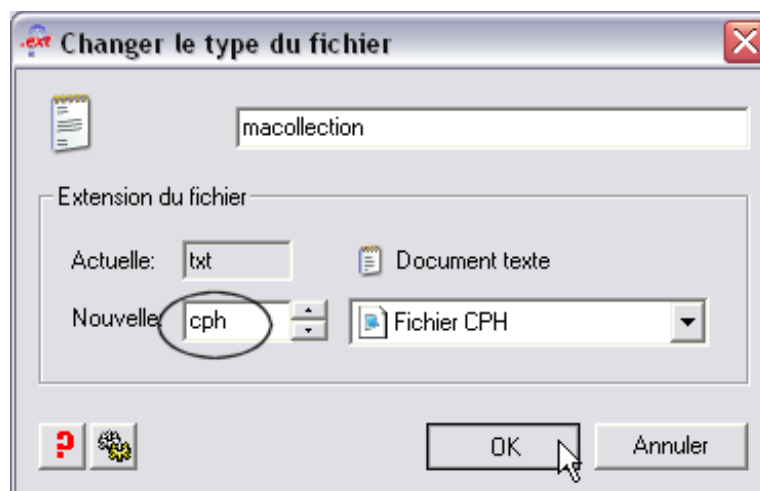


Dans la boîte de dialogues, nommez votre collection, assurez-vous que le codage ANSI est bien activé puis enregistrez.

Faites un clic droit sur votre nouvelle collection.



Dans le menu contextuel qui apparaît, choisissez Changer le type (txt)



Remplacez le type txt par cph et sauvegardez.

Votre collection est terminée, vous pouvez lancer Phylogène.